

**UUSI TUTKIMUS: METYLAATIOPROFILOINTI, GENOMINLAAJUINEN, KUDOSNÄYTTEESTÄ
(Metylaatio) TILATTAVISSA 28.10.2024 ALKAEN**

Kasvainten genominlaajuinen metylaatioprofiili voi antaa viitteitä kasvaimen tyypistä ja alkuperästä. Metylaatioprofilointia käytetään rutiininomaisesti aivokasvainten ja jonkun verran sarkoomien diagnostiikassa yhdessä morfologian, immunohistokemiallisten värjäysten ja mahdollisten muiden tutkimusten kanssa. Metylaatiotutkimus tehdään mikroarraymenetelmällä (Illumina MethylationEPIC v2.0 BeadChip). Tutkimuksesta saatava data syötetään pseudonymisoituna aivokasvain- tai sarkoomaluokittelijaan (<https://www.molecularneuropathology.org>). Lausuntona on tutkimusraportti sekä luokittelijan tuottama tulos-pdf, joka sisältää luokittelijan ennusteen kasvaintyyppistä, kasvaimen kopiolukuprofiilikuvaajan sekä MGMT-geenin promoottorialueen metylaatiostatuksen.

Tutkimusnimike	Metylaatio (Tyks:n tutkimusnumero 14831)
Tutkimuksen valmistumisaika	Tekotiheys kahden viikon välein, vastaus 2–3 viikon kuluttua näytteen saapumisesta laboratorioon
Näytemateriaali	Ensisijaisesti FFPE-leikkeet 1,5 ml Eppendorf-putkessa sekä HE-lasi, johon merkitty mahdollinen rikastettu alue
FFPE-leikkeiden määrä	3–10 kpl 5 µm FFPE-leikkeitä näytteen koosta ja solukkuudesta riippuen. Hyvin niukkojen näytteiden kohdalla suositellaan konsultoimaan laboratoriota ennen näytteen lähettämistä.
Tuumorisoluprosentti	Optimaalinen vähintään 60 % (jos kasvainsolujen osuus jää kokoleikkeessä tämän alle, suositellaan kasvainalueen rikastamista eli makrodissektiota)
Pakolliset esitiedot	Kasvaimen lokalisaatio, mahdolliset alustavat histopatologiset tulokset, työdiagnosi/erotusdiagnostiset vaihtoehdot, arvio tuumorisoluprosentista

Tiedustelut: molekyylipatologia@varha.fi

Eva-Maria Talvitie
Patologian erikoislääkäri
Genomiikan palvelualue

Jenni Tuominen
Erikoistuva sairaalasolubiologi
Genomiikan palvelualue

Veli Kairisto
Palvelualuejohtaja
Genomiikan palvelualue